



VII Jornadas Actualización en Inmunizaciones 2026

XX Aniversario Curso Latinoamericano Actualización en Inmunizaciones a Distancia

“Acercando el conocimiento, acortando distancias y uniendo a Latinoamérica a través de las inmunizaciones”

Dengue en Argentina y en la Región: Situación epidemiológica actual

María Alejandra Morales y Carlos Giovacchini



Temas de la presentación

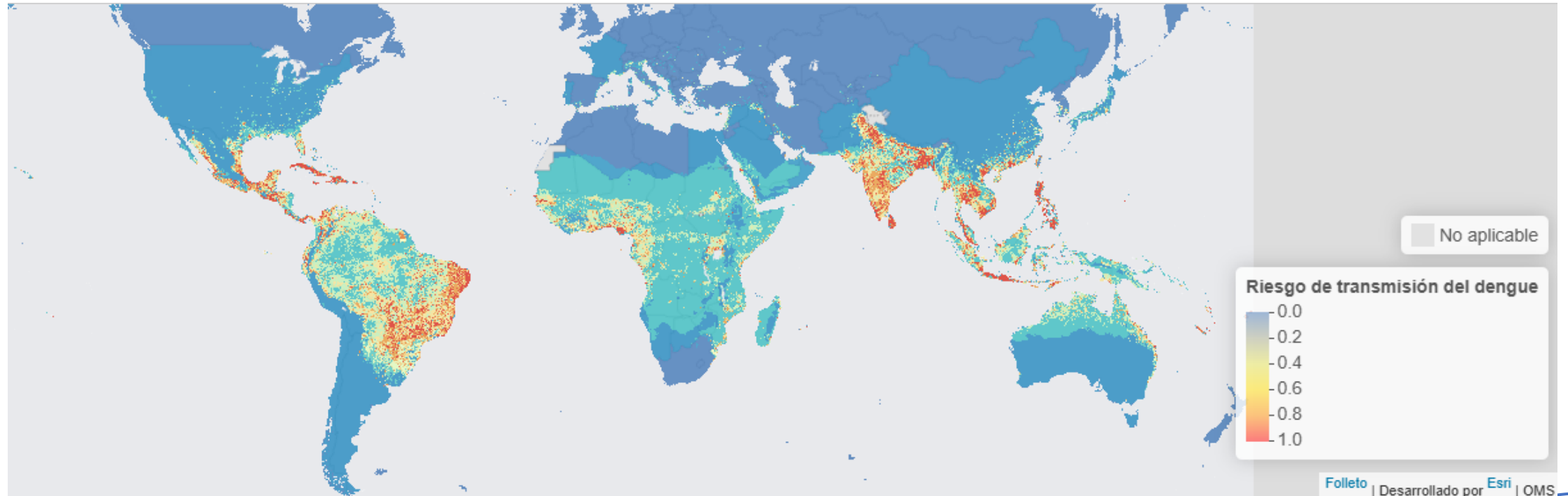
- Epidemiología mundial y regional
- Epidemiología en Argentina
- Conclusiones y nuevos interrogantes



Epidemiología mundial y regional



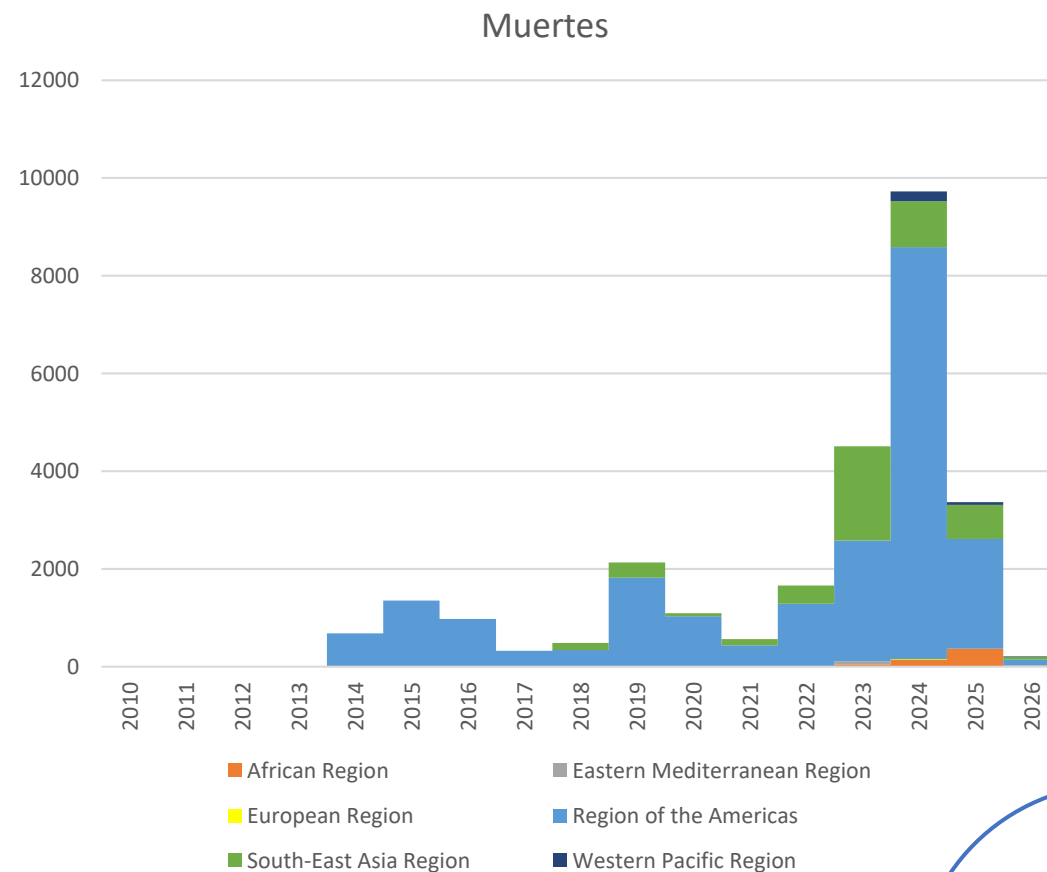
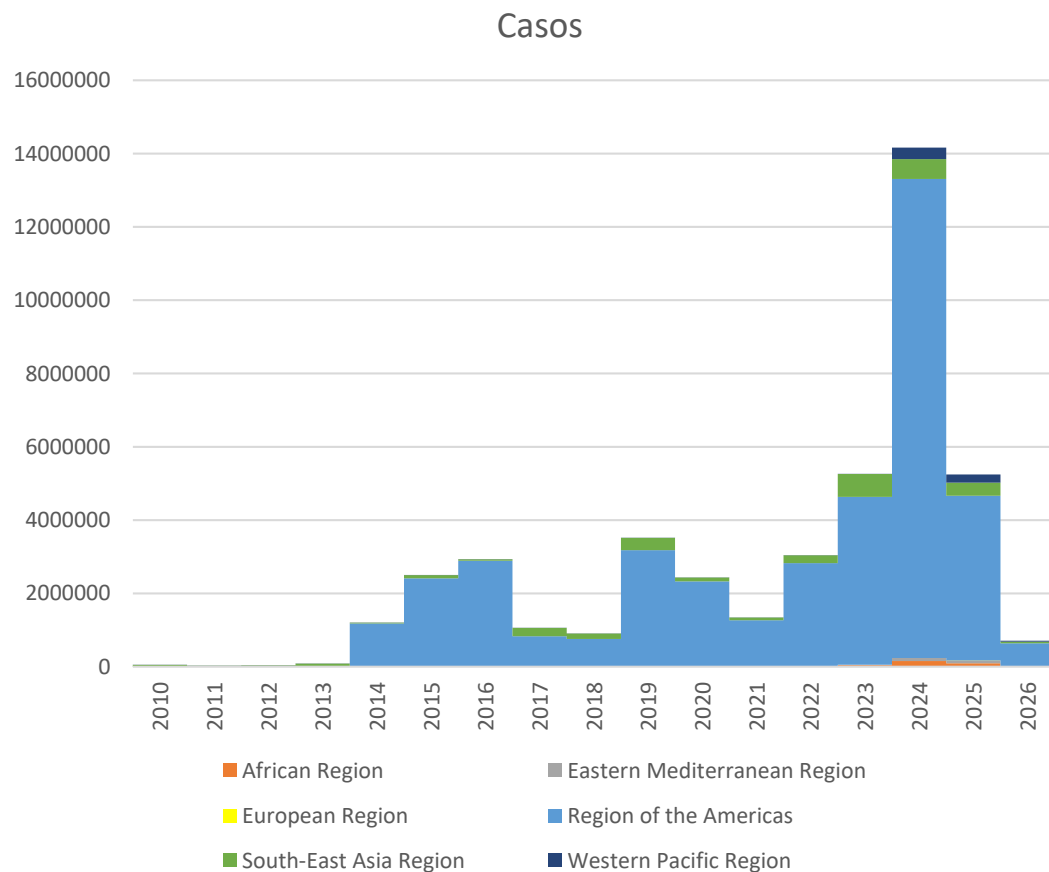
Riesgo de transmisión de dengue



Fuente de datos: OMS, Ministerios de Salud y bibliografía existente hasta 2023.
Elaboración del mapa: OMS y Escuela de Higiene y Medicina Tropical de Londres.



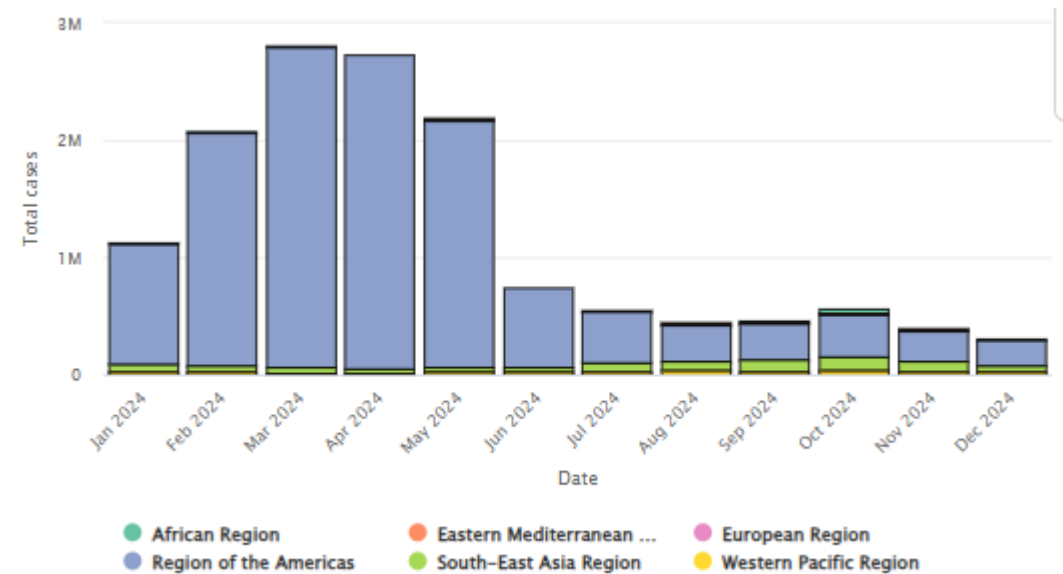
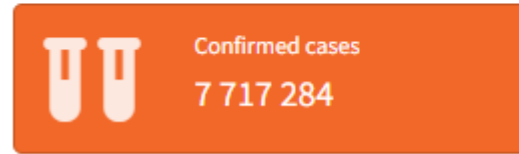
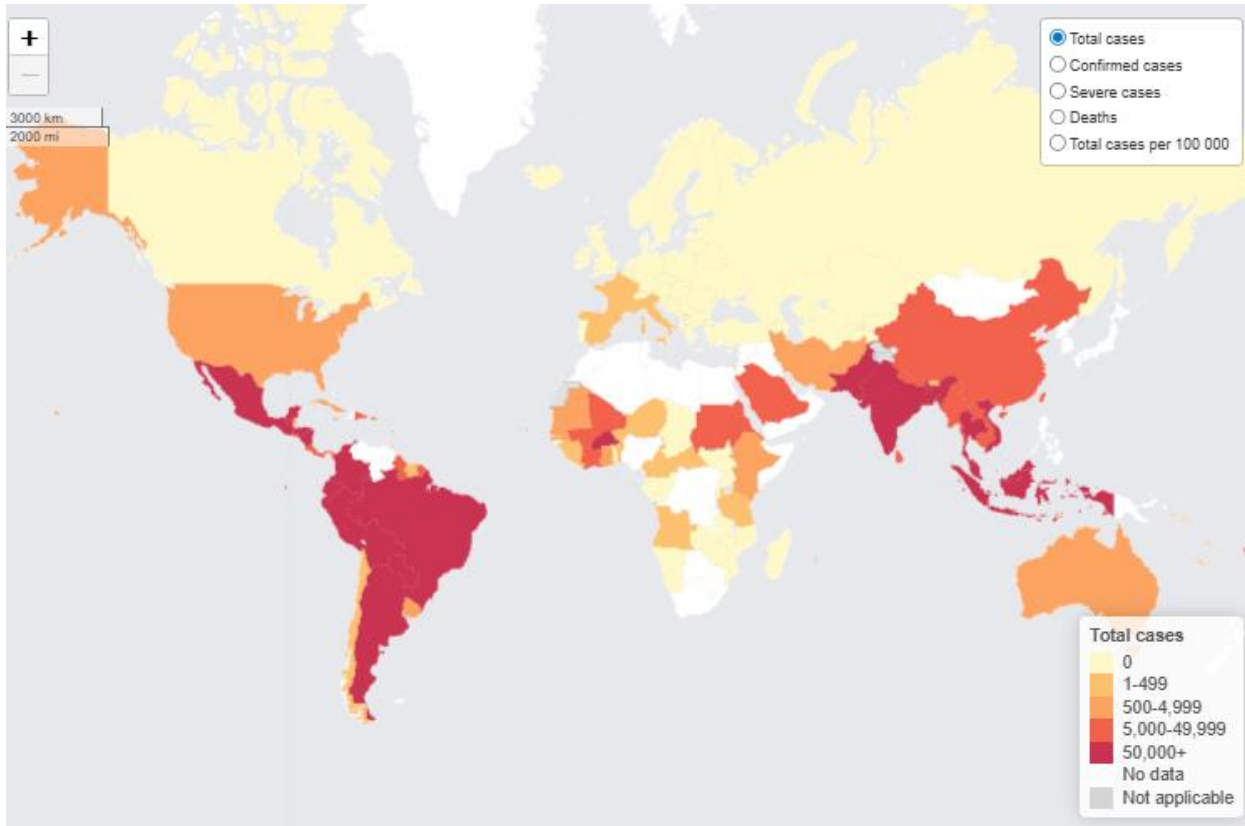
Dengue en el mundo



Fuente de datos: OMS, Ministerios de Salud y bibliografía existente hasta 2023.
Elaboración del mapa: OMS y Escuela de Higiene y Medicina Tropical de Londres.

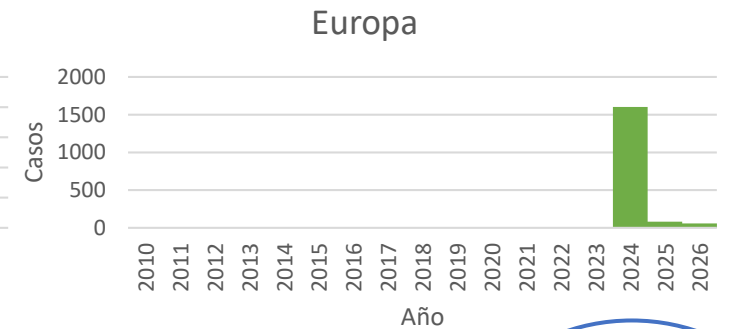
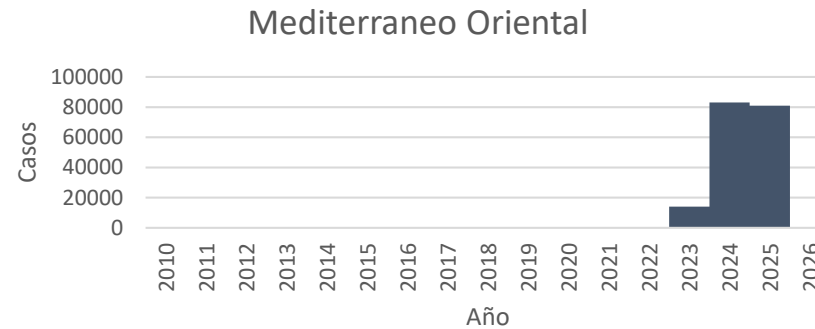
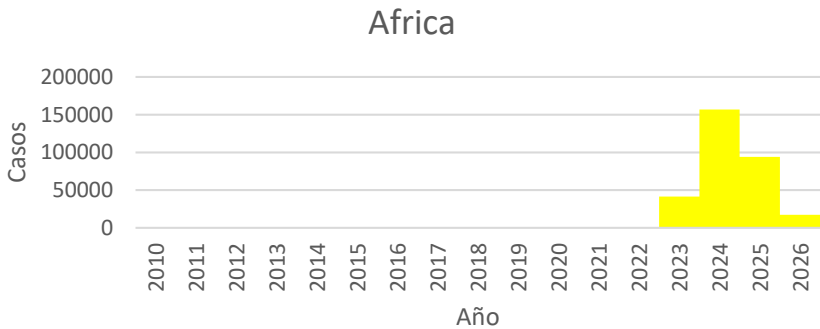
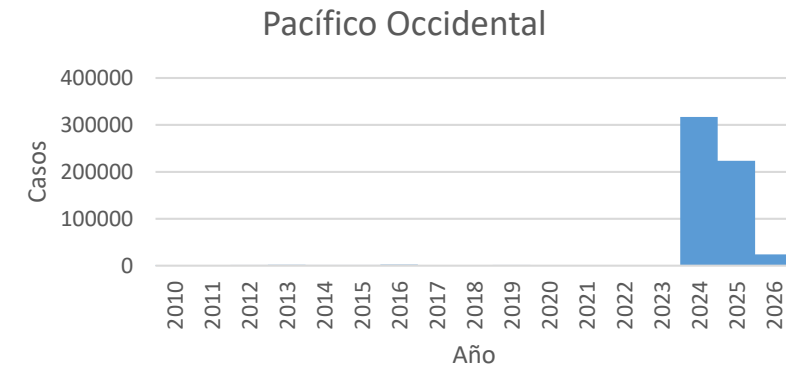
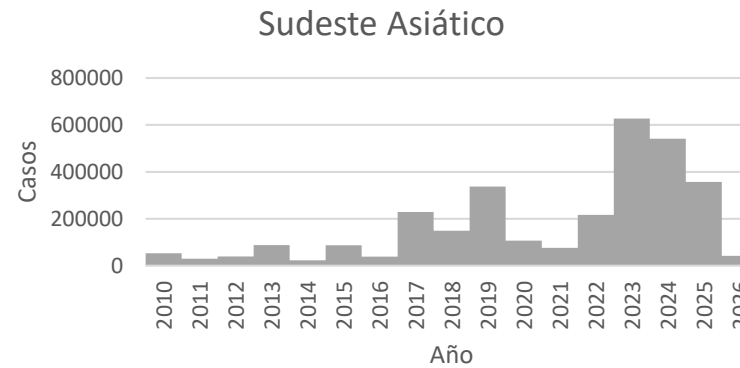
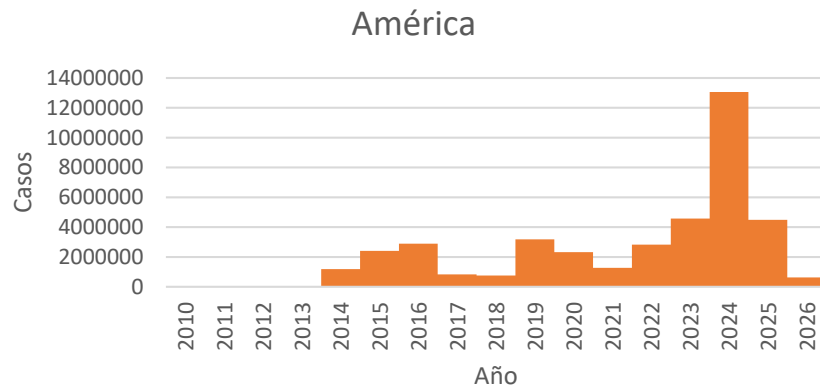
Dengue global 2024

Region of the Americas 11 647 246





Dengue en el mundo

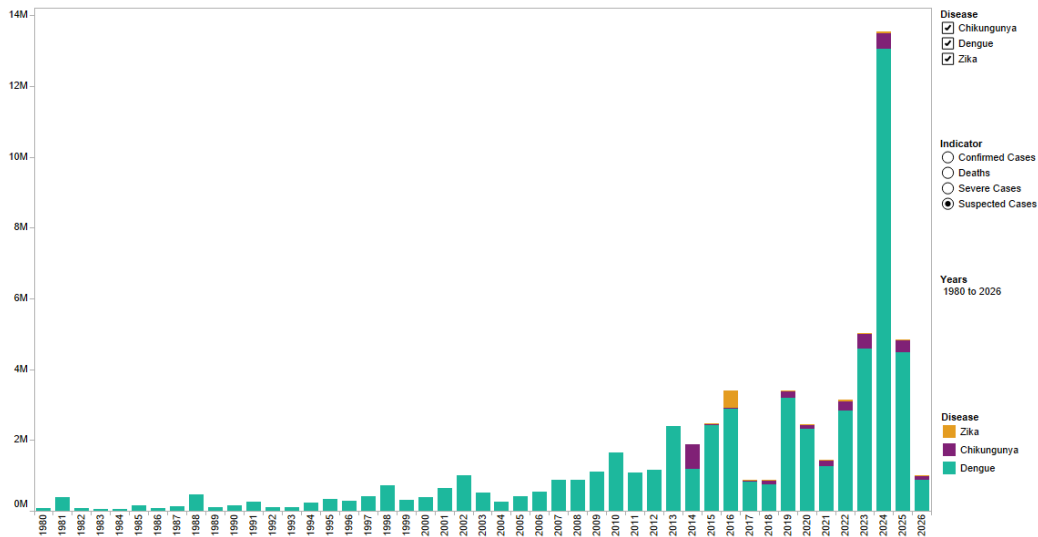




Dengue: tendencia últimos 20 años en Las Américas

Cases and Deaths from Dengue, Chikungunya, and Zika
in the Region of the Americas

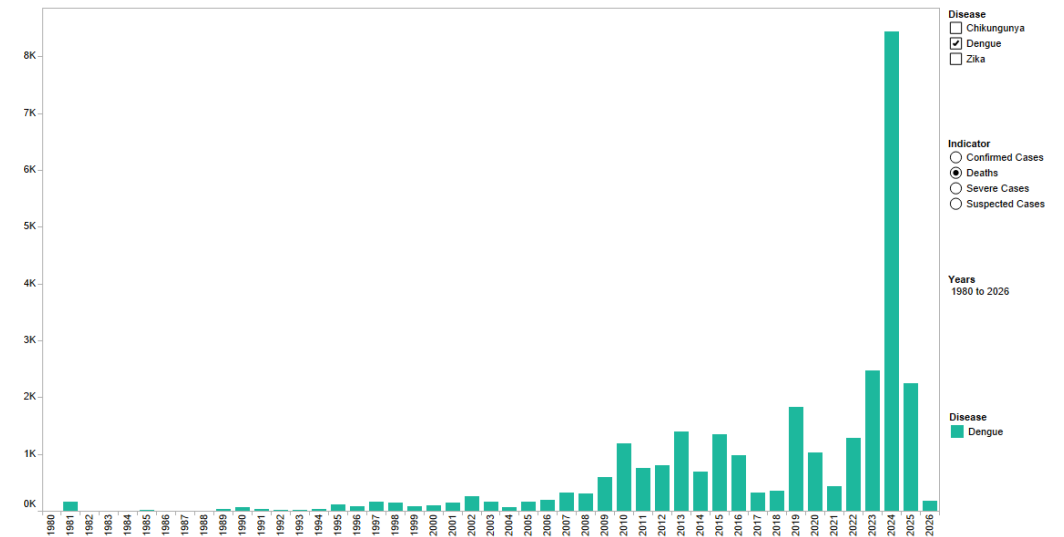
Updated on 5/6/2026 with data up to epidemiological week 52 of 2025.



Notes:
1. Published data are preliminary and subject to change due to adjustment processes carried out by countries.
2. The epidemiological week of data update varies by country.
ID:1000en

Cases and Deaths from Dengue, Chikungunya, and Zika
in the Region of the Americas

Updated on 5/6/2026 with data up to epidemiological week 52 of 2025.



Notes:
1. Published data are preliminary and subject to change due to adjustment processes carried out by countries.
2. The epidemiological week of data update varies by country.
ID:1000en

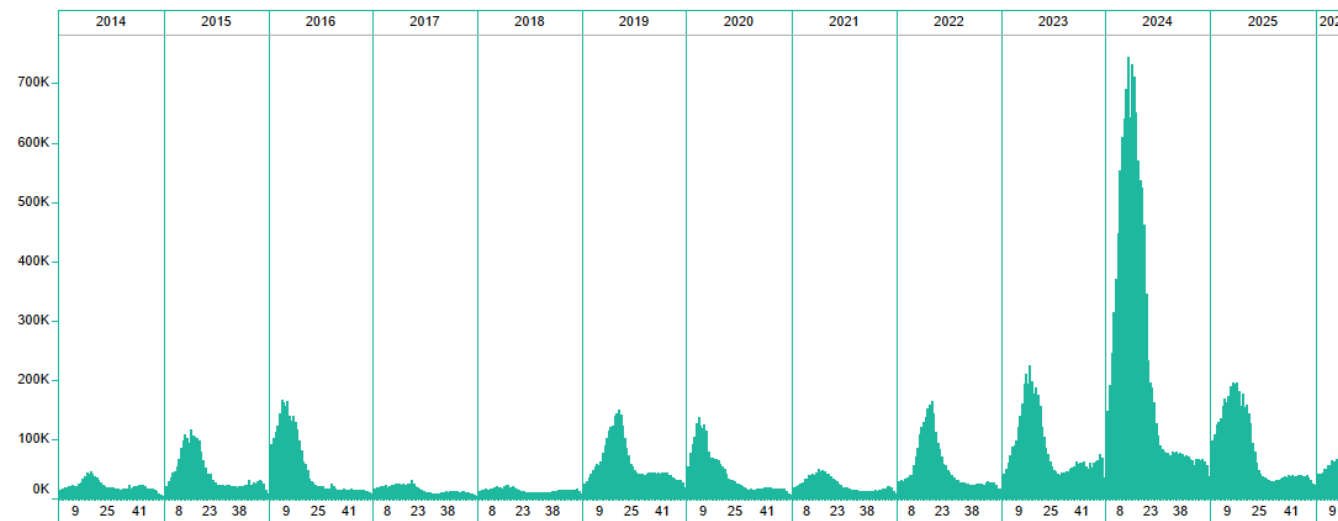


Dengue: tendencia últimos 20 años en Las Américas



Número de Casos Reportados de Fiebre por Dengue para las Américas por Semana Epidemiológica y Año

Seleccione Año
All



ID: 1002

Fuente: Plataforma Integral de información Arboviral de las Américas (PIIAA). Datos reportados por los Ministerios e Institutos de Salud de los países y territorios de la región de las Américas.

NOTA: Número de casos reportados de fiebre por dengue incluye todos los casos de dengue: sospechosos, probables, confirmados, no-grave, grave y muertes. Los datos publicados son preliminares y están sujetos a cambios debido a los procesos de ajustes realizados por los países.



Impacto del clima y el establecimiento de *A.albopictus* en dengue y Chikungunya en brotes de Europa



Articles

Impact of climate and *Aedes albopictus* establishment on dengue and chikungunya outbreaks in Europe: a time-to-event analysis

Zia Farooq*, Leo Segelmark*, Joacim Rocklöv, Kate Liljevald, Maquines Odhiambo Sewe, Olivier J T Briet, Jan C Semenza

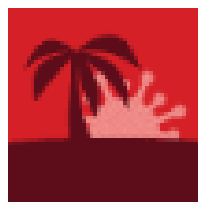


<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/40381632/>

- Entre 1990 y 2024, el intervalo desde el primer establecimiento regional de *Ae albopictus* hasta el primer brote de dengue o chikungunya disminuyó de 25 años a menos de 5 años.
- El intervalo desde el primer brote hasta el segundo brote disminuyó de 12 años en 1990 a menos de 1 año en 2024.
- Un aumento de 1 °C en la temperatura media del verano se asoció con una razón de riesgo de 1,55 (IC del 95 % 1,30–1,85; $p < 0,0001$).
- Se estima un aumento de casi cinco veces en los brotes de dengue o chikungunya para la década de 2060, en relación con el período de referencia de 1990–2024 en escenarios de cambio climático.



Tendencias de incidencia del dengue y su impacto en las principales regiones endémicas entre 1990 y 2019.



Tropical Medicine and Infectious Disease



Article

Dengue Incidence Trends and Its Burden in Major Endemic Regions from 1990 to 2019

Na Tian^{1,2,3,4,5,6}, Jin-Xin Zheng^{1,3,4,5,6}, Zhao-Yu Guo^{1,3,4,5,6}, Lan-Hua Li², Shang Xia^{1,3,4,5,6}, Shan Lv^{1,3,4,5,6} and Xiao-Nong Zhou^{1,3,4,5,6,*}

- aumento significativo a escala mundial entre 1990 y 2019, con la tasa general estandarizada por edad (ASR) aumentando de 557,15 (IC del 95 % 243,32–1212,53) por 100.000 en 1990 a 740,4 (IC del 95 % 478,2–1323,1) por 100.000 en 2019.
- En 2019, la región de Oceanía tuvo las tasas de incidencia estandarizadas por edad más altas por 100.000 habitantes (3173,48 (IC del 95 % 762,33–6161,18)), seguida de la región del sur de Asia (1740,79 (IC del 95 % 660,93–4287,12)), y luego la región del sudeste asiático (1153,57 (IC del 95 % 1049.49–1281.59)).
- La mayoría de los países con la carga más pesada de fiebre del dengue se encontraban en áreas con regiones SDI bajas y medias.
- El mayor riesgo y carga de enfermedad se concentran principalmente en personas menores de 14 o mayores de 70 años.
- impacto negativo de la urbanización en la incidencia del dengue y que destinen más recursos a las zonas con bajo índice socioeconómico y a las personas menores de 14 años o mayores de 70 para reducir la carga de la enfermedad.

<https://pmc.ncbi.nlm.nih.gov/articles/PMC9416661/>

H N R G

HOSPITAL DE NIÑOS
RICARDO GUTIÉRREZ



Tendencias en incidencia y letalidad por dengue en Brasil

+ RESS | REVISTA DO SUS

doi • 10.1590/S2237-96222025v34e20240424.en

ORIGINAL ARTICLE

Trends in dengue incidence and lethality: interrupted time series analysis, Brazil, 2001-2022

Tatiane Fernandes Portal de Lima Alves da Silva¹, Henry Maia Peixoto², Lúcia Rolim Santana de Freitas², Emerson Luiz Lima Araújo³, Walter Massa Ramalho²

¹Ministério da Saúde, Secretaria de Vigilância em Saúde e Ambiente, Brasília, DF, Brazil

²Universidade de Brasília, Faculdade de Medicina, Brasília, DF, Brazil

³Ministério da Saúde, Secretaria de Atenção Primária à Saúde, Brasília, DF, Brazil

- Aumento sostenido de casos y de la letalidad por dengue en Brasil entre 2001 y 2024.
 - Urbanización, cambio climático, movilidad humana, factores socioeconómico y ambientales favorables al vector.
- Expansión y aumento en la región Sur,
- DENV-2 asociado con mayor gravedad en niños.
- Directrices nacionales sin impacto en Incidencia y con impacto en Letalidad.
- Potencial impacto positivo de:
 - Vacunas contra dengue.
 - Método Wolbachia.
 - Inversión en determinantes sociales.



DENGUE EN ARGENTINA



Evolución del Dengue y otras Arbovirosis en Argentina

VACUNAS PARA DENGUE
Dengvaxia → primera generación (licenciada 2015).
Qdenga → segunda generación con indicación independiente de serostatus (2022).
Butantan-DV → vacuna monodosis brasileña más reciente (2025).

Incremento en la detección de Flavivirus

- Re-infestación de Argentina por *Aedes aegypti*
- Re-emergencia de DENV en 1997, circulación restringida a NOA y NEA
- Detección de SLEV con impacto epidémico y afectación neurológica, re-emergencia de YFV (2008), emergencia de WNV (2005/6)

Epidemias urbanas de DEN y YF

Fines del s. XIX – Comienzos del s. XX

1930 – 1980

1990 – 2000

2009 – act.

Epizootias equinas

Detección de EEEV, WEEV y SLEV virus del grupo serológico Cache Valley, inicio de encuestas serológicas

Grandes Epidemias

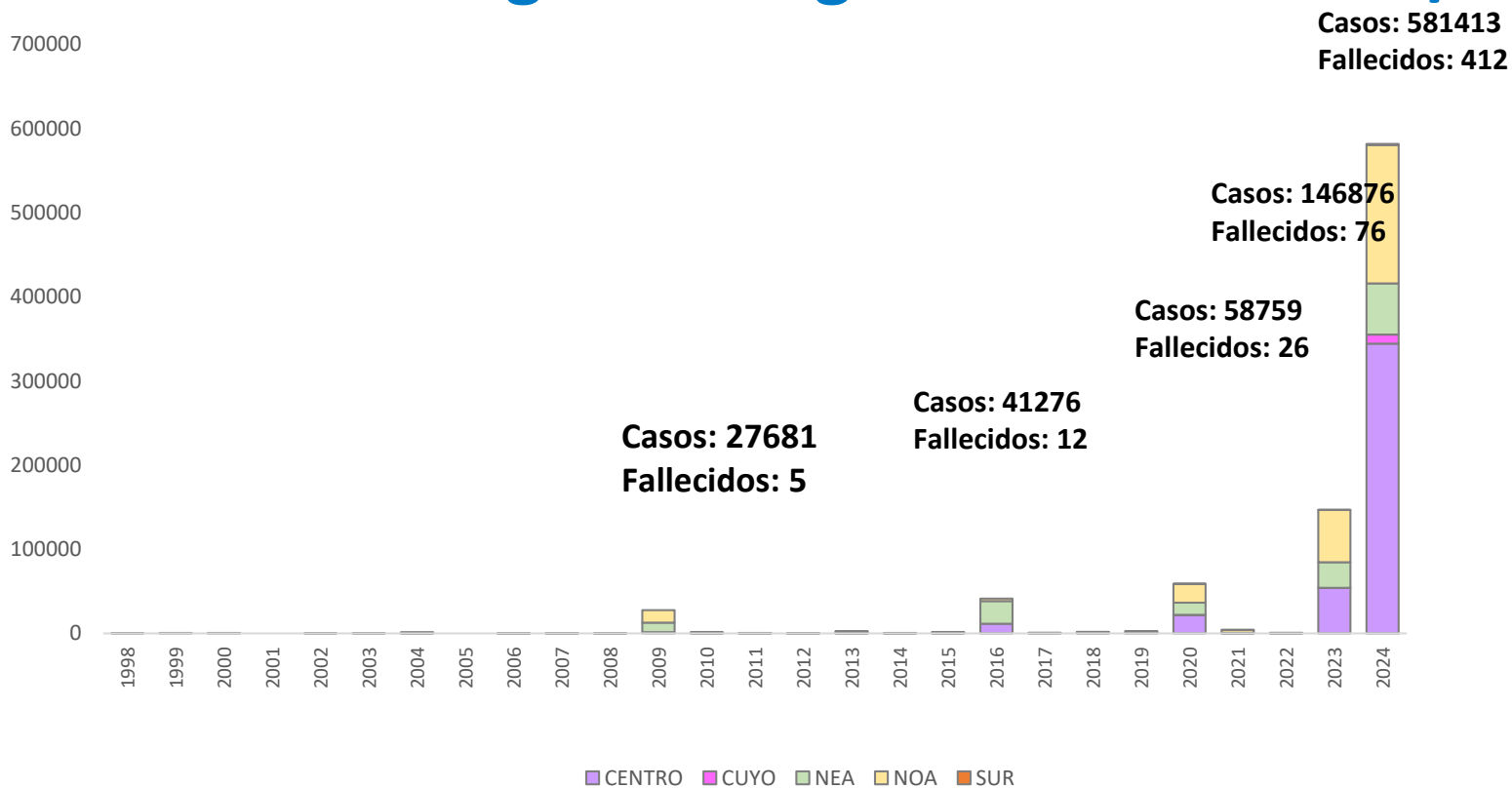
Complejización del contexto epidemiológico de los arbovirus transmitidos por *Aedes*

- 2009 Primer gran epidemia DENV
- 2015/16 Segunda gran epidemia DENV, Introducción de ZIKV y CHKV
- 2020 Epidemia DEN, predominio DENV-1
- 2022- 2023: Epidemia de DENV, predominio DENV-2, reintroducción CHIKV
- 2024: la mayor epidemia DENV en Argentina

Qué tendencia se espera para dengue en Argentina en la etapa post-vacuna?



Dengue en Argentina 1998-SE 30/2024



Desde la reemergencia de dengue en 1998 hasta la SE 1/ 2025, se registraron más de 850.000 casos, de los cuales el 83% corresponden al período SE1 2023 y SE 30 2024.

Año	1998	1999	2000	2001	2002	2003	2004	2005	2006	2007	2008	2009	2010	2011	2012	2013	2014	2015	2016	2017	2018	*2019	2020	2021	2022	2023	2024
Serótipos			DEN1		DEN1	DEN1					DEN1	DEN1	DEN1	DEN1		DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1	DEN1
	DEN2	DEN2			DEN2				DEN2	DEN2			DEN2	DEN2	DEN2								DEN2	DEN2	DEN2	DEN2	DEN2
					DEN3	DEN3			DEN3	DEN3					DEN3											DEN3	DEN3
													DEN4			DEN4	DEN4	DEN4	DEN4			DEN4	DEN4				

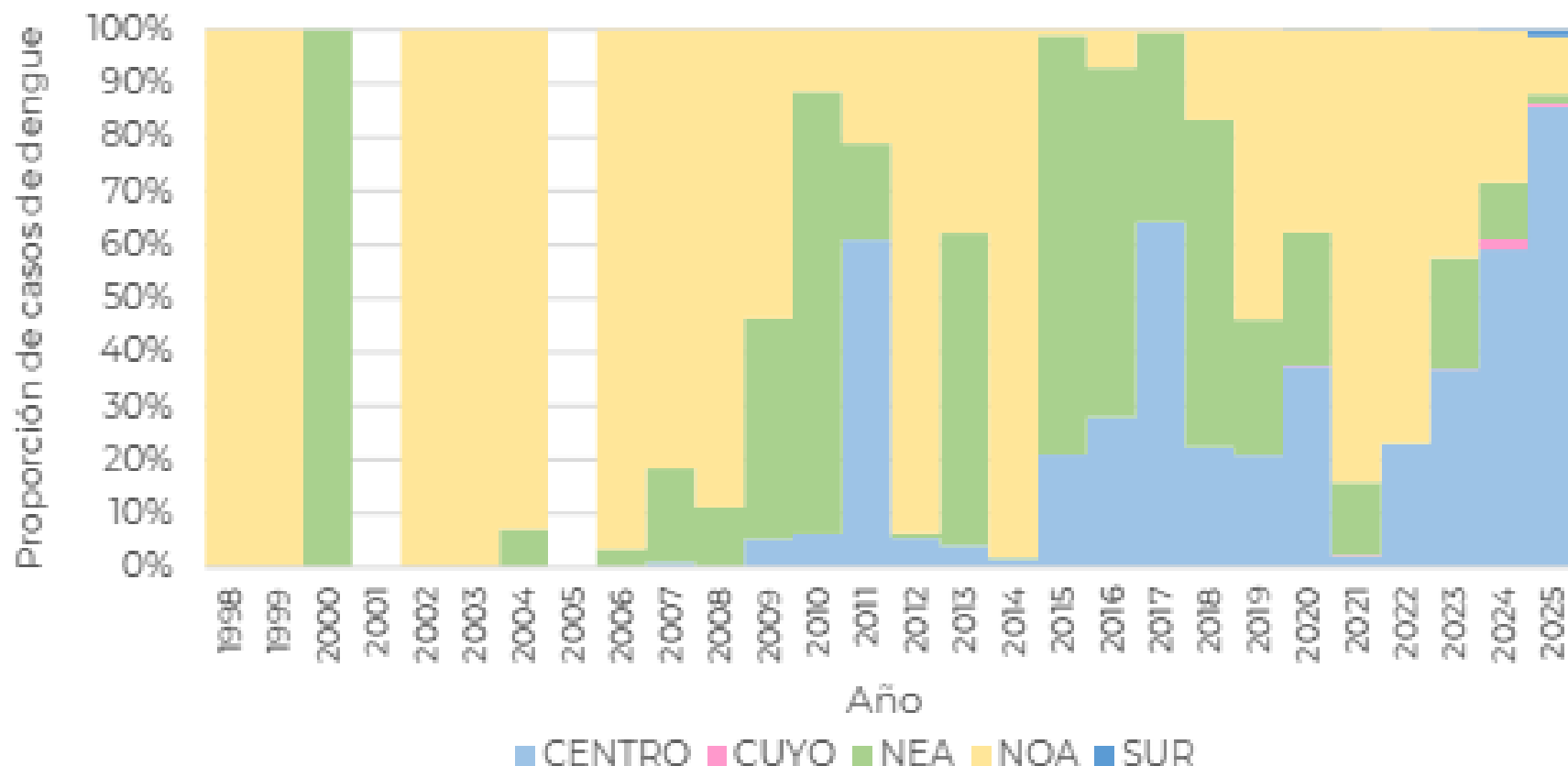
- **2023:** Brote de mayor magnitud y persistencia hasta el 2024. Coincide con la entrada del DENV-2, genotipo Cosmopolita en Argentina.
- **2024>>>2023**
- **2024:** Más de 566.000 casos en 30 semanas.

Fuente: Vigilancia Laboratorial- Elaboración propia del Área de Vigilancia de la Salud de la Dirección de Epidemiología en base a información proveniente del Sistema Nacional de Vigilancia de la Salud (SNVS 2.0)-



- La incidencia por región en Argentina ha cambiado desde la reemergencia.
- Hasta 2008, predominio en la zona subtropical del país (principalmente NOA).
- A partir de 2009, incremento en la región centro en las temporadas epidémicas, llegando a representar más del 50% en 2024.
- Se han sumado la zona de Cuyo (2021) y hay una progresión a las provincias de la zona Sur más recientemente (La Pampa desde 2024)

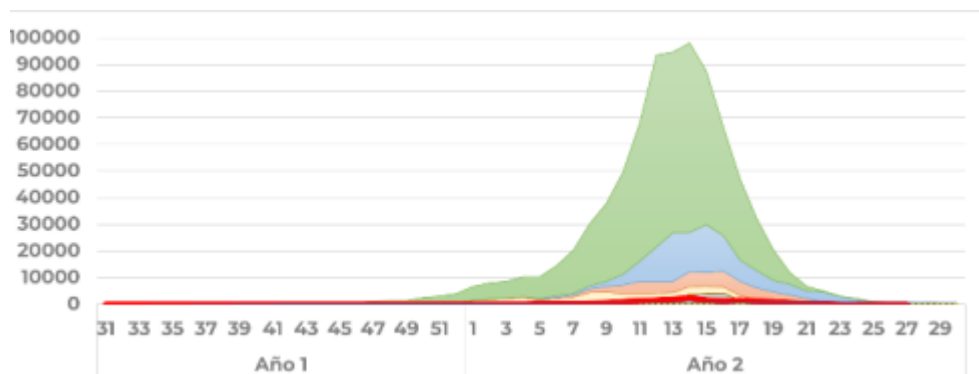
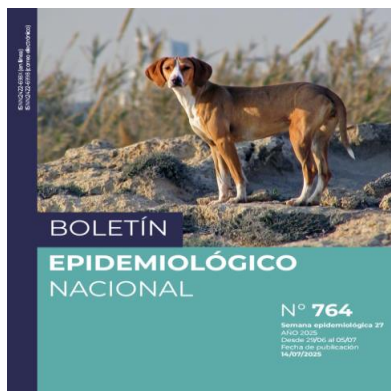
Dengue: distribución porcentual por región de casos de dengue desde la reemergencia. Año 1998-2025.



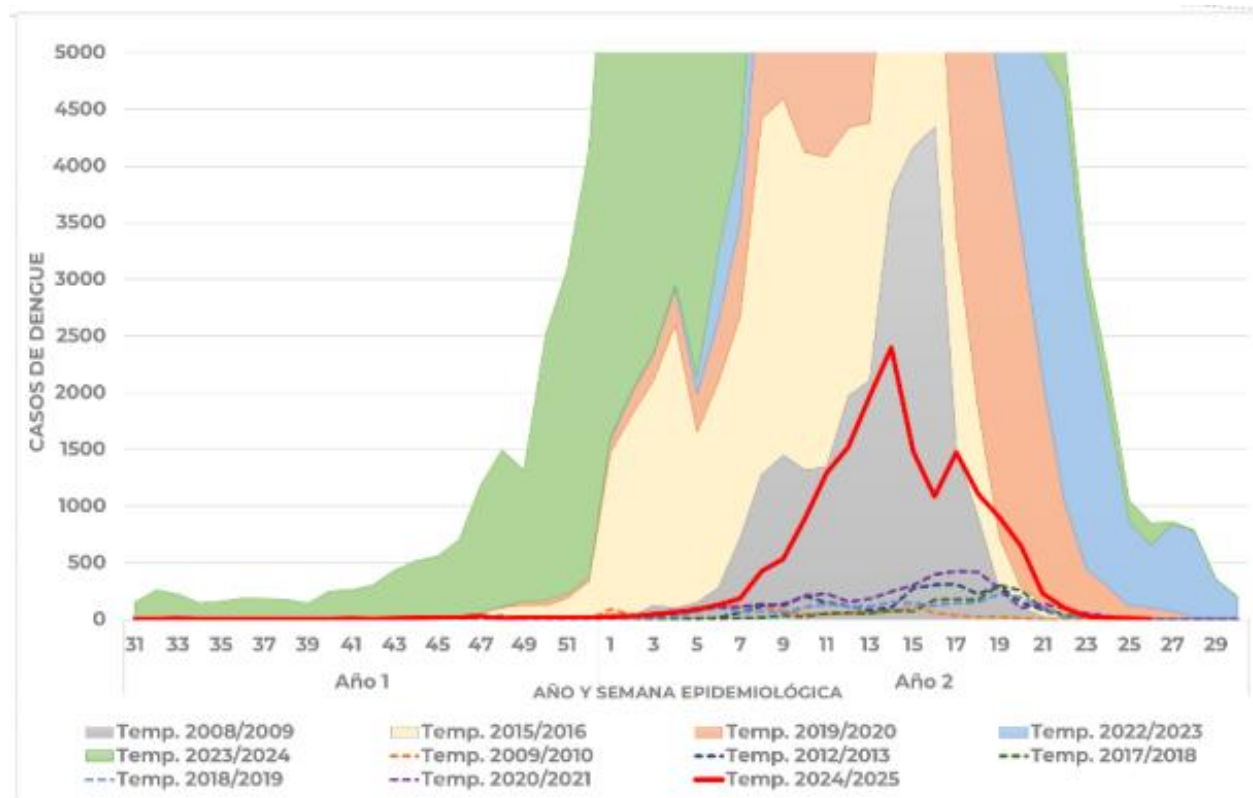


Desde el año 2010 se evidencia una disminución en los intervalos inter-epidémicos, tendencia acentuada entre 2020 y 2025

Entre 2023 y 2025, se constató la persistencia de la circulación viral durante la temporada invernal en la región del NEA y adelantamiento en las otras áreas, evidenciando un cambio también en la temporalidad.



Los casos reportados en la temporada 2024-2025 se encontraron por debajo de los niveles observados en temporadas epidémicas, pero superaron los valores correspondientes a las temporadas no epidémicas, prácticamente en todas las semanas epidemiológicas desde la SE 41



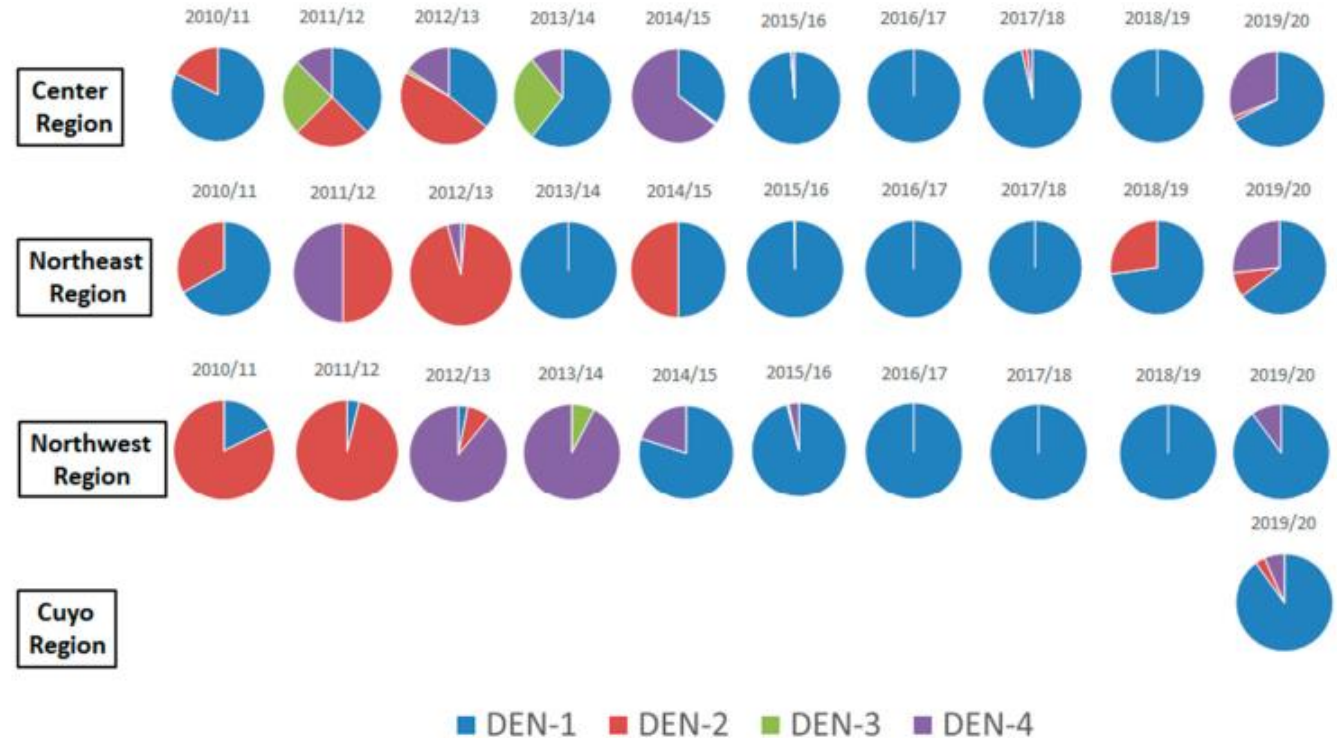
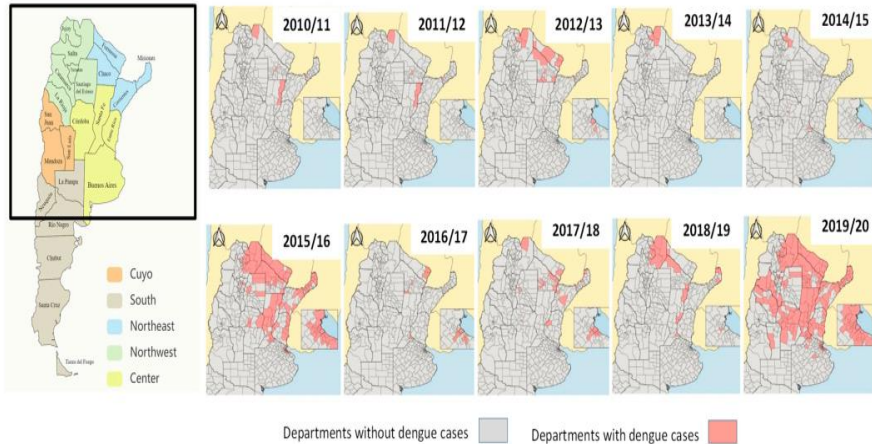
Serotipos de Dengue detectados en Argentina, 2010/11 a 2019/20



Article

Epidemiology of Dengue in Argentina during the 2010/11 to 2019/20 Seasons: A Contribution to the Burden of Disease

Solana Rapaport ¹, Mariana Mauriño ², María Alejandra Morales ³, Cintia Fabbri ³, Victoria Luppó ³, María Pía Buyayisqui ², Teresa Varela ², Carlos Giovacchini ² and Analía Urueña ^{1,*}

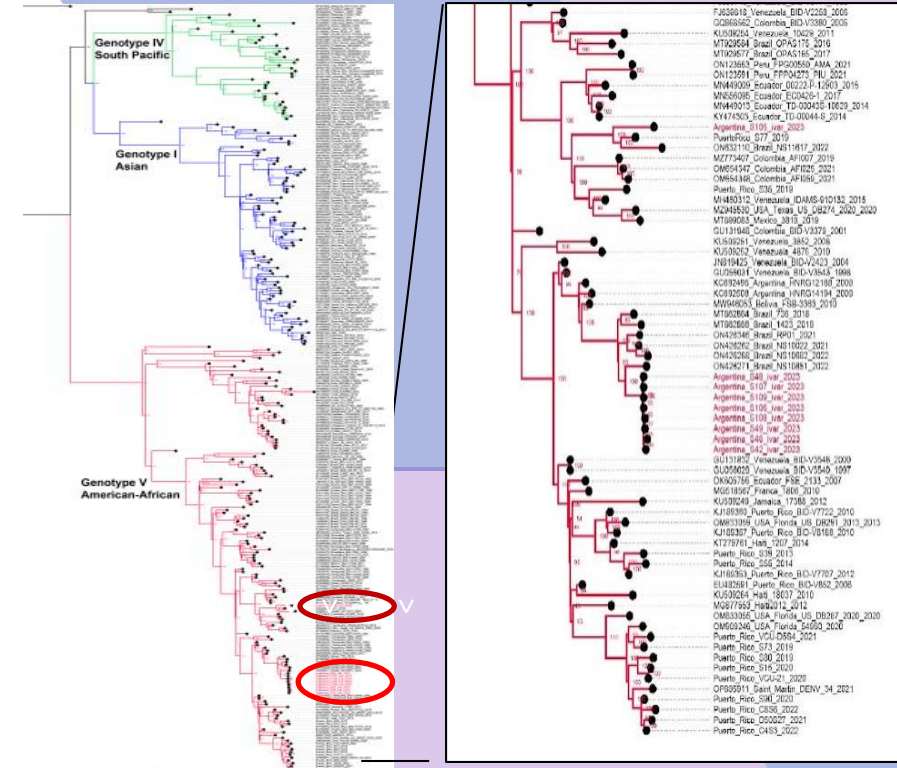


- Marcado predominio de DENV-1 en el período evaluado-
- Aumento de diversidad de cepas de dengue circulantes y co-circulación de otros arbovirus.
- Cada region tiene su propia historia y combinación de serotipos y genotipos virales circulantes.

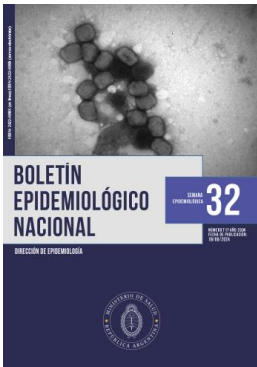


Genómica del DENV-1 (NGS): 2023 -2025

- Se ha detectado el **genotipo V** de DENV-1 en el período 2023 al 2025 (NGS) al igual que se detectara desde 2002 al 2021 (metodología de Sanger, gen E)
- La dinámica de DENV-1 en Argentina se ha caracterizado por introducciones, expansión geográfica y desplazamientos de distintos clados reflejando, fundamentalmente, lo que sucede en el resto de los países de Latinoamérica
- En el periodo 2023-2025 los análisis filogenéticos muestran asociación con secuencias de Brasil y una secuencia se asocio con secuencias de Puerto Rico, Colombia y Brasil, de circulación reciente



Trabajo colaborativo INEVH-CDC Dengue Branch

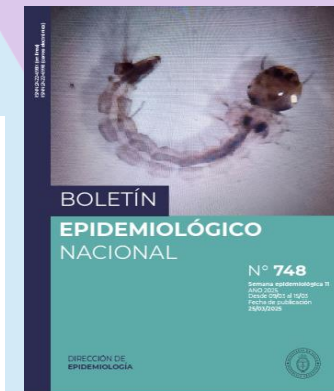


BOLETÍN EPIDEMIOLÓGICO NACIONAL N°717, SE 32, AÑO 2024

INFORME PRELIMINAR DE VIGILANCIA GENÓMICA Y DETERMINACIÓN DE GENOTIPOS DE LOS ARBOVIRUS DENGUE (SEROTIPOS 1, 2 Y 3) Y CHIKUNGUNYA CIRCULANTES EN ARGENTINA DURANTE LA TEMPORADA 2023 Y 2024

Boletín Epidemiológico Nacional N°748, SE 11, Año 2025

VIII. Informe preliminar de vigilancia genómica y determinación de genotipos de dengue serotipos 1, 2 y 3 circulantes en Argentina durante la temporada 2024-2025



DENGUE EN ARGENTINA 2023–2024: LA MAYOR EPIDEMIA REGISTRADA Y SU IMPACTO EN LA MORBIMORTALIDAD (I)

ISSN 1669-9106 MEDICINA (Buenos Aires) 0000: 00: 00-00

Artículo original

Características demográficas, clínicas y laboratoriales de casos de dengue, global y según etapa de la v Temporada 30/07/2023 a 27/07/2024. Argentina. n=583 259

DENGUE EN ARGENTINA 2023–2024: LA MAYOR EPIDEMIA REGISTRADA Y SU IMPACTO EN LA MORBIMORTALIDAD

GABRIELA A. FERNÁNDEZ¹, SILVINA RUVINSKY², ROCÍO N. BARRIOS³, MARIANA VÁZQUEZ⁴, MACARENA ROEL⁵, YASMIN D. EL AHMED¹, MARÍA A. MORALES⁵, SUSANA LLOVERAS⁵, ANABEL SINCHI⁵, TOMÁS A. ORDUNA⁷, PATRICIA R. GONZÁLEZ², CARLA TABACHI⁶, MAURO BERTOLINI⁶, VICTORIA C. LUPPO⁵, ANDREA S. VILLALBA⁵, MARÍA G. CODARINI⁶, JOSEFINA G. PINO⁶, FEDERICO M. SANTORO¹, LUCÍA S. GALLARDO¹⁰, MARÍA E. FANDIÑO¹¹, CARLOS GIOVACCHINI¹², CECILIA GONZALEZ LEBRERO¹

Desde la reemergencia de dengue en 1998 hasta la SE 1/ 2025, se registraron más de 850.000 casos, de los cuales el 83% corresponden al período SE1 2023 y SE 30 2024.

-583.259 casos (incidencia 1.239/100.000) → 98% transmisión autóctona

-96% de los casos entre las SE 1–19/2024, principalmente en la región Centro y NOA.

-Perfil clínico-virológico: 78% en adultos; 22% población infanto juvenil, 0,3% formas graves; 5,6% hospitalización

-4% con determinación de serotipo. Predominio de DENV-2:

-DENV-2 (56%), seguido de DENV-1 (43%) y DENV-3 (0.2%)

Gentileza Dra. Fernandez

Variable	Global n (%) 583 259 (100)	Población adulta n (%) 456 942 (78)	Población infantojuvenil n (%) 126 317 (22)	OR [IC95%]	p- valor
Sexo masculino [n (%)]	262 460 (45)	196 096 (43)	66 364 (53)	0.68 [0.67- 0.69]	<0.001
Edad (Mediana [RIC])	31 [18- 47]	37 [27-51]	11 [7-14]	NC	NC
Comorbilidades (*) [n (%)]	12 064 (2.1)	10 120 (2.2)	1944 (1.5)	1.4 [1.4- 1.5]	<0.001
Grave [n (%)] (†)	1635 (0.3)	1366 (0.3)	269 (0.2)	1.4 [1.2- 1.6]	<0.001
Confirmación virológica [n (%)] (‡)	24 041 (4.1)	18 539 (4.1)	5502 (4.4)	0.93 [0.90- 0.96]	<0.001
Letalidad	419 (0.07)	385 (0.08)	34 (0.02)	3.1 [2.2- 4.4]	<0.001

RIC: rango intercuartílico; OR: odds ratio

Fuente: Elaboración propia. Comité de gravedad y mortalidad por dengue en base a información proveniente del SNVS 2.0. Dirección de Epidemiología. Ministerio de Salud de la Nación

DENGUE EN ARGENTINA 2023–2024: LA MAYOR EPIDEMIA REGISTRADA Y SU IMPACTO EN LA MORBIMORTALIDAD (II)

Características demográficas, clínicas y laboratoriales de casos fallecidos por dengue. Global y según etapa de la vida. Temporada 30/07/2023 a 27/07/2024. Argentina. n=419

Comorbilidades más frecuentes: HTA, obesidad, diabetes e inmunocompromiso.

Síntomas más frecuentes: fiebre, síntomas gastrointestinales y cefalea.

Las artralgias fueron significativamente más frecuentes en adultos (p = 0.002).

Mayor frecuencia de síntomas gastrointestinales en infantojuvenil, sin significancia estadística.

Los hallazgos de laboratorio más comunes fueron leucopenia y plaquetopenia

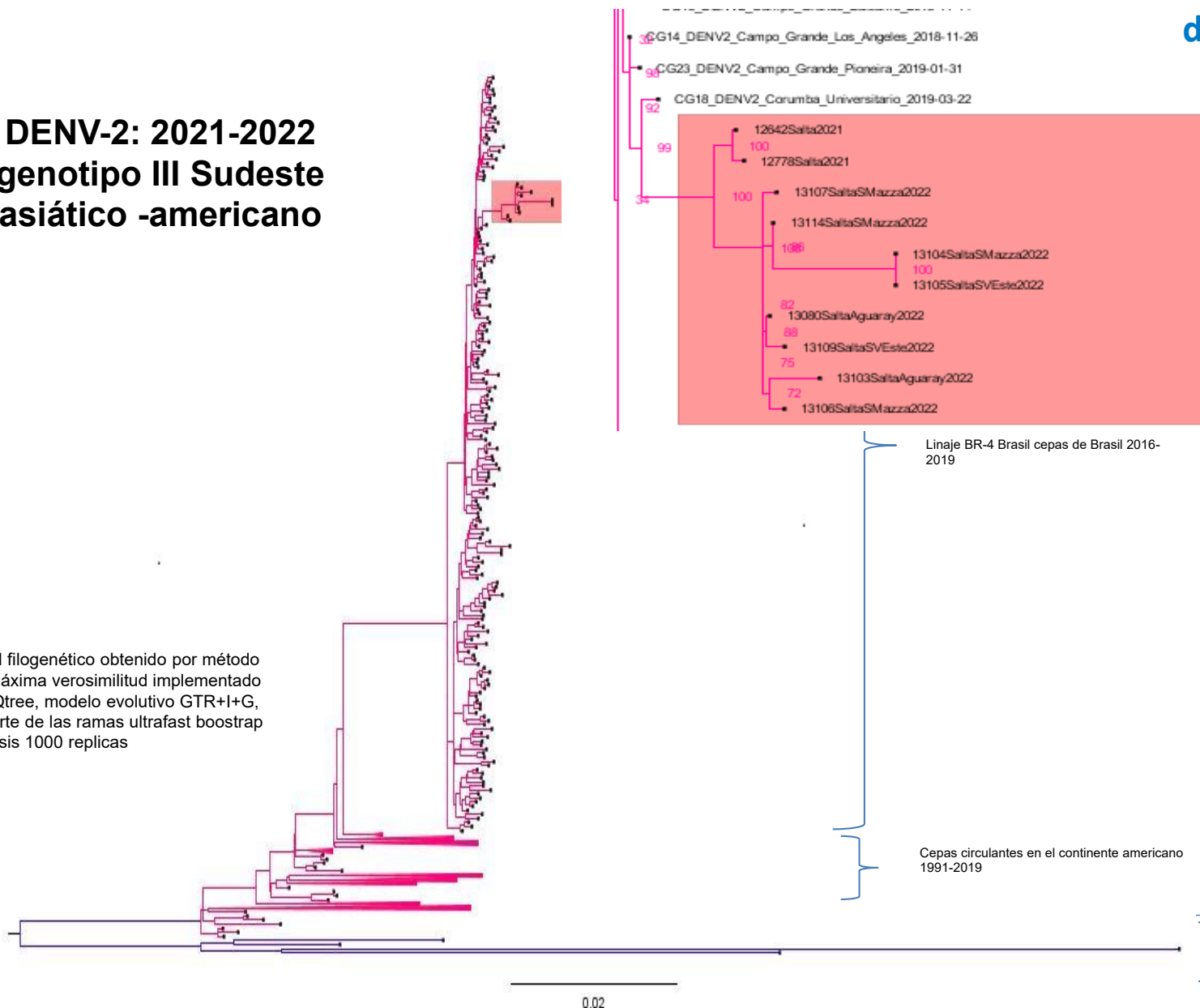
Formas atípicas 7%: miocarditis (n=15), sme. Meningeo/encefalitis (n=14), rabiomiólisis severa (n=1).

Variable	Global, n = 419 (100%)	Población adulta, n = 385 (91.9%)	Población infantojuvenil, n = 34 (8.1%)	OR [IC95%]	p-valor
Sexo masculino [n (%)]	190 (45%)	175 (46%)	15 (44%)	1.1 [0.49-2.3]	0.9
Edad (Mediana [RIC])	49 [33-71]	52 [37-72]	8 [3-14]	NC	NC
Comorbilidades [n (%)]	154 (37%)	147 (38%)	7 (21%)	2.4 [0.98-6.6]	0.041
Días entre FIS y FC (*) (Mediana [RIC])	3 [1-5]	3 [0-5]	3 [1-4]		0.7
Días entre FIS y fallecimiento (Mediana [RIC])	6 [4-9]	6 [4-9]	5 [3-6]		0.003
Días entre FC y fallecimiento (Mediana [RIC])	3 [1-6]	3 [1-6]	1 [0-3]		0.005
Días entre FC y FA (†) (Mediana [RIC])	2 [1-4]	2 [1-4]	3 [1-7]		0.4
Días entre ingreso a UCI y fallecimiento (Mediana [RIC])	1 [0-4]	1 [0-4]	1 [0-2]		0.14
Confirmación virológica [n (%)]	188 (45%)	164 (43%)	24 (71%)	0.31 [0.13-0.69]	0.002
Serotipo completo					>0.9
DENV-1 [n (%)]	76 (40%)	66 (40%)	10 (42%)		
DENV-2 [n (%)]	110 (59%)	96 (59%)	14 (58%)		
DENV-3 [n (%)]	0 (0%)	0 (0%)	0 (0%)		
DENV-1 y DENV-2 [n (%)]	2 (1.1%)	2 (1.2%)	0 (0%)		



DENV-2: 2021-2022 genotipo III Sudeste asiático -americano

Arbol filogenético obtenido por método de máxima verosimilitud implementado en IQtree, modelo evolutivo GTR+I+G, soporte de las ramas ultrafast bootstrap análisis 1000 replicas



La mayor casuística de dengue en Argentina hasta el momento coincide con el predominio del serotipo DENV-2 vs DENV-1 y con el ingreso de un nuevo genotipo en 2023

- ✓ Se obtuvieron 10 secuencias genómicas con una cobertura global > 85%.
- ✓ 2 muestras de pacientes obtenidas entre marzo y abril de 2021 de las localidades Tartagal (1) y Santa Victoria Este (1) con conexión a la frontera con Paraguay.
- ✓ 8 muestras de pacientes obtenidas entre febrero y abril de 2022 procedentes de Aguaray (2), Salvador Mazza (4) y Santa Victoria Este (2).
- ✓ Todas las secuencias agruparon en un clado y los análisis filogenéticos mostraron mayor asociación con cepas de Brasil del año 2019.

Vigilancia genómica del DENV-2 circulante en la provincia de Salta, Argentina 2021-2022.
Fabbri C y col. SADI 2022



2023-2024: Introducción de un nuevo genotipo para DENV-2 en Argentina



Estudio de vigilancia genómica y genotipificación de los Arbovirus DENGUE (serotipos 1 y 2) y CHIKUNGUNYA

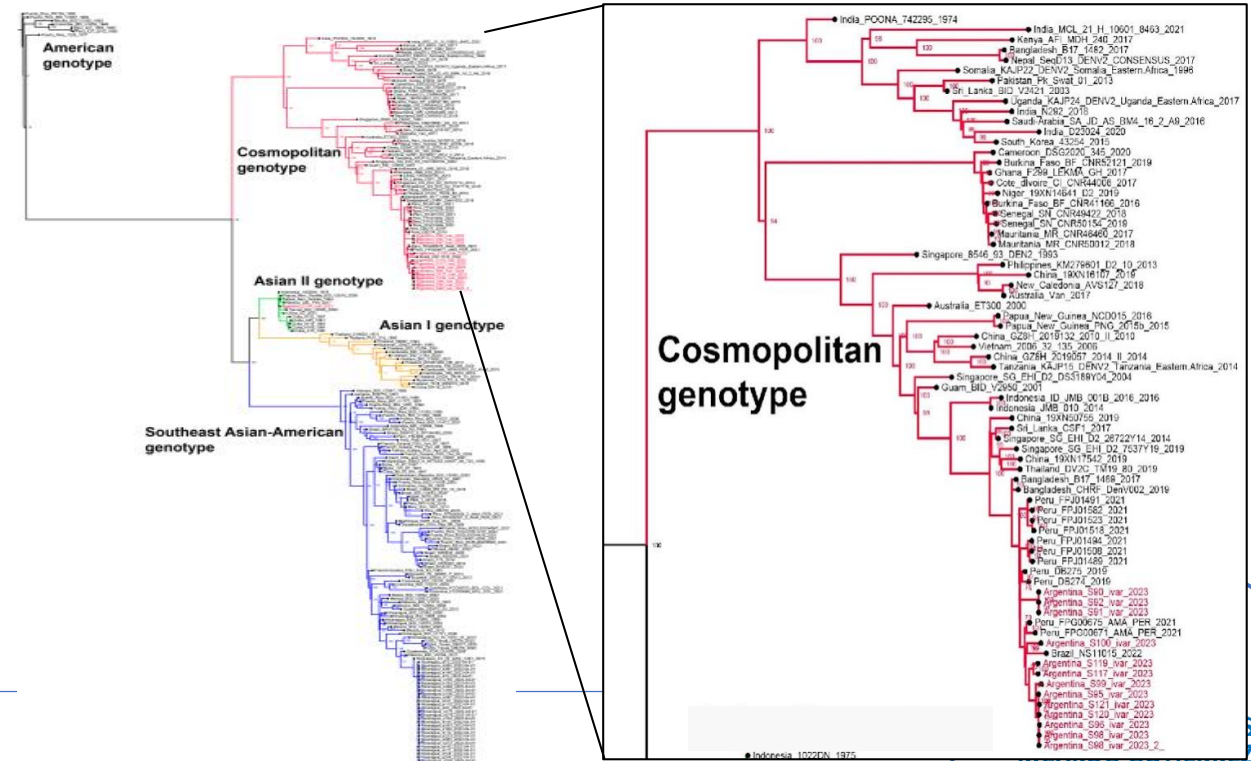
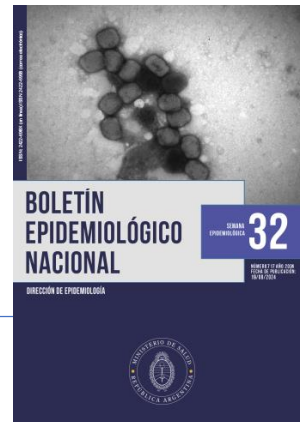
- En todas las muestras estudiadas para virus Dengue serotipo 2, se identificó el **Genotipo II - Cosmopolita**. Esta identificación marca la introducción de un nuevo genotipo en el país ya que hasta el año 2022 se había detectado la circulación del genotipo III (Sudeste Asiático-Americano). La Introducción en América del genotipo Cosmopolita fue detectada en el año 2019 en Perú y posteriormente en 2021 se reportó un caso de este genotipo en Brasil (2,3).

BOLETÍN EPIDEMIOLÓGICO NACIONAL N°717, SE 32, AÑO 2024

INFORME PRELIMINAR DE VIGILANCIA GENÓMICA Y DETERMINACIÓN DE GENOTIPOS DE LOS ARBOVIRUS DENGUE (SEROTIPOS 1, 2 Y 3) Y CHIKUNGUNYA CIRCULANTES EN ARGENTINA DURANTE LA TEMPORADA 2023 Y 2024

DENV-2

- Se obtuvieron secuencias de 130 muestras de DENV-2 utilizando la tecnología de secuenciación de NGS (Illumina).
- En todas las muestras estudiadas para virus Dengue serotipo 2, se identificó el Genotipo II – Cosmopolita, linaje F 1.2, incluyendo las muestras de los casos graves y/o fatales y las 2 co-infecciones o co-detecciones.
- La Introducción en América del genotipo Cosmopolita fue detectada en el año 2019 en Perú y posteriormente en 2021 se reportó un caso de este genotipo en Brasil (2,3). Desde el año 2023 es el genotipo prevalente en la región de las Américas. Análisis filogenéticos preliminares muestran asociación con secuencias de Argentina, Brasil y Perú.
- El linaje detectado es el mismo al que circuló en el primer trimestre de 2023, año en el que se dio la introducción de este genotipo en el país.



Trabajo colaborativo INEVH-CDC Dengue Branch



Dengue en Argentina SE 31-2025 a SE 17-2026



Total Casos Sosp.
23048

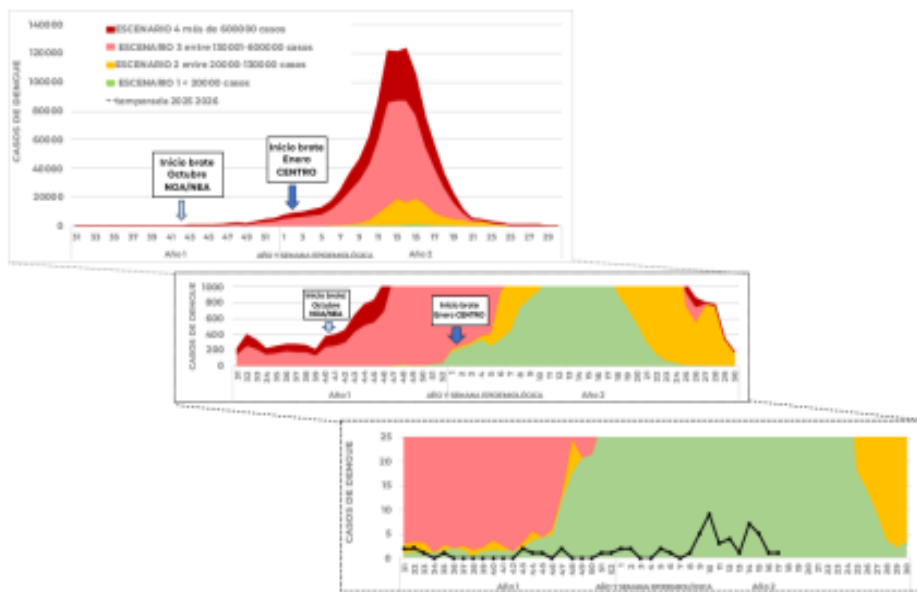


Confirmados
58



Fallecidos
0

Casos de dengue de la temporada 2025-2026 representados en el modelo de estimación de escenarios epidemiológicos (n=58)



Fuente: Elaboración propia de la Dirección de Epidemiología en base a información proveniente del Sistema Nacional de Vigilancia de la Salud (SNVS 2.0)

Casos según clasificación por jurisdicción y región.

Jurisdicción	Sin antecedente de viaje (SAV)		Con antecedente de viaje (CAV)		Serotipos detectados	Con lab. negativo	Sosp. (sin laboratorio)	Total notificados	Total casos de dengue
	Conf. Por labo.	Prob.	Conf. Por labo.	Prob.					
Buenos Aires	11	57	5	10	DENV-1 DENV-2	1337	348	1768	16
CABA	17	25	8	3	DENV-1 DENV-2 DENV-3	416	183	652	25
Córdoba	2	35	2	0	DENV-2	2745	124	2708	4
Entre Ríos	0	4	4	1	DENV-3	308	7	324	4
Santa Fe	0	29	1	2	DENV-3	1187	75	1294	1
Total Centro	30	150	20	16		5793	737	6746	50
Mendoza	0	0	1	1	DENV-3	134	2	138	1
San Juan	0	0	0	0		42	0	42	0
San Luis	0	0	0	0		82	15	97	0
Total Cuyo	0	0	1	1		258	17	277	1
Chaco	0	8	0	0		931	8	947	0
Corrientes	1	1	0	0	DENV-1	148	38	188	1
Formosa	2	3	1	0	DENV-2	4567	39	4612	3
Misiones	0	4	1	0		656	1	662	1
Total NEA	3	16	2	0		6302	86	6409	5
Catamarca	1	6	0	0	DENV-2	444	4	455	1
Jujuy	0	26	1	0		1189	27	1243	1
La Rioja	0	6	0	0		239	2	247	0
Salta	0	31	0	0		2362	892	3285	0
S. del Estero	0	5	0	0		256	436	697	0
Tucumán	0	95	0	1		3251	156	3503	0
Total NOA	1	169	1	1		7741	1517	9430	2
Chubut	0	0	0	0		14	2	16	0
La Pampa	0	0	0	2		83	9	94	0
Neuquén	0	0	0	0		25	3	28	0
Río Negro	0	0	0	0		4	0	4	0
Santa Cruz	0	0	0	0		29	3	32	0
T. del Fuego	0	0	0	0		12	0	12	0
Total Sur	0	0	0	2		167	17	186	0
Total País	34	335	24	20	DENV-1,2,3	20261	2374	23048	58

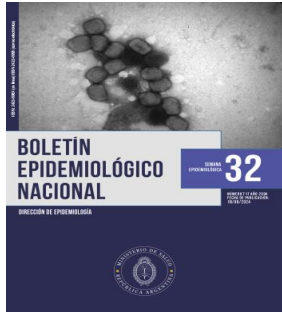
Sin antecedente de viaje: autóctonos y en investigación

Fuente: Elaboración propia del Área de Vigilancia de la Salud de la Dirección de Epidemiología en base a información proveniente del Sistema Nacional de Vigilancia de la Salud (SNVS 2.0).

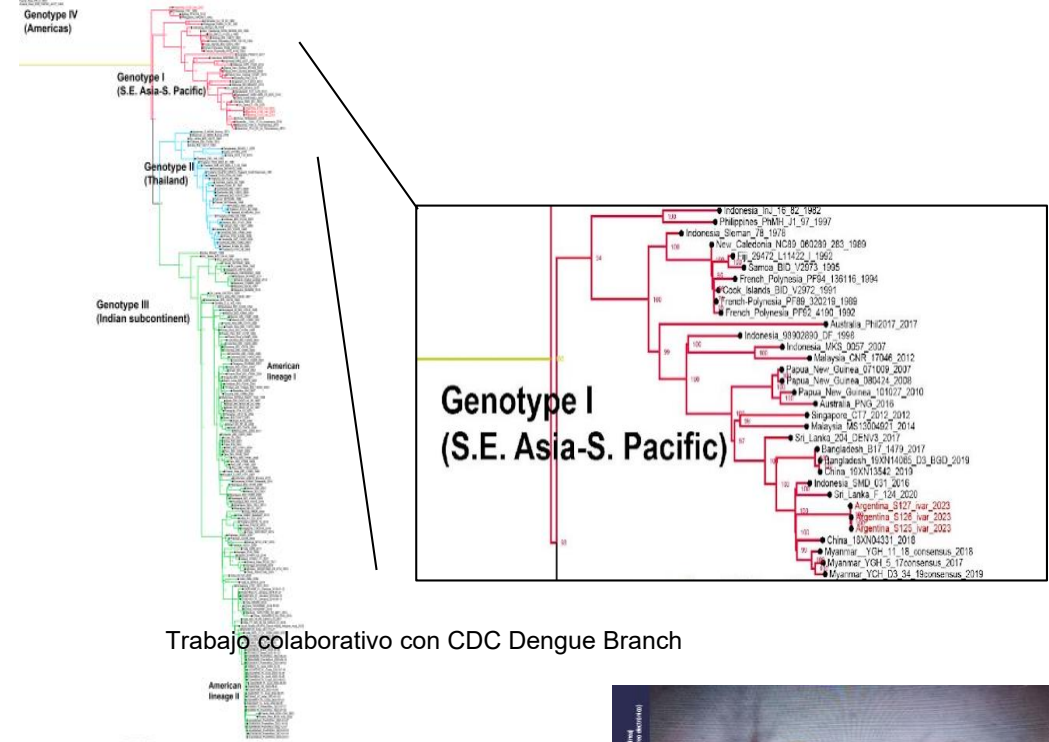
Serotipos detectados:
DENV-1, DENV-2 y
DENV-3



Detección de DENV-3 en 2023-2026 y el riesgo de expansión futura



- 2023, N= 3, casos autóctonos, provincia de Tucumán
- Se identificó el **genotipo I**, del Sudeste Asiático y Sur del Pacífico. Esta identificación marca la introducción de un nuevo genotipo en el país y en la región.
- Análisis filogenéticos muestran asociación con secuencias de Indonesia y Sri Lanka de 2020
- El DENV-3 no circulaba en Argentina desde el año 2012 (genotipo III- Sanger-gen E)

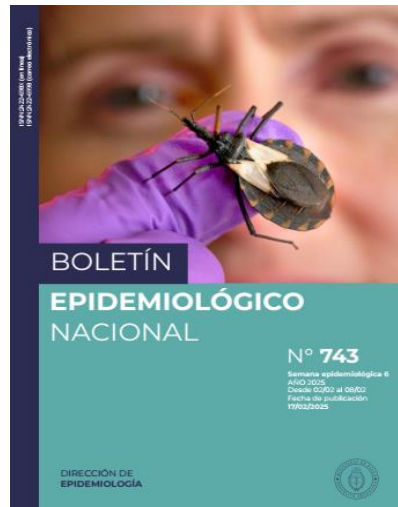


Trabajo colaborativo con CDC Dengue Branch

Boletín Epidemiológico Nacional N°743, SE 06, Año 2025

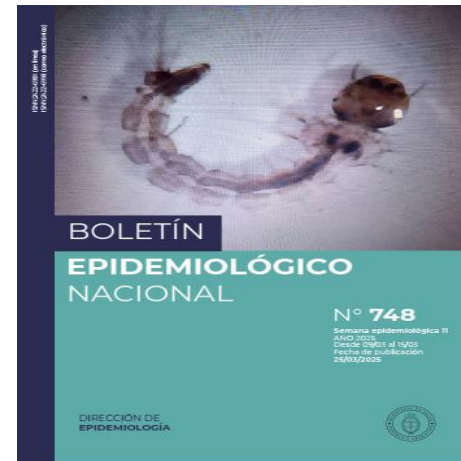
VII. Informe preliminar de vigilancia genómica y determinación de genotipo de virus DENGUE-3 detectado en Argentina durante la temporada 2024

- 2024, N=5, Casos autóctonos en Entre Ríos
- Se identificó el genotipo III, linaje B3, con mayor identidad nucleotídica y asociación filogenética con cepas de Cuba del 2022 y de Brasil del año 2023.



OPS **Alerta Epidemiológica**
Riesgo de brotes de dengue por la mayor circulación de DENV-3 en la Región de las Américas
Corrigendum¹ - 10 de febrero del 2025

La aparición y magnitud de los brotes de dengue suelen estar asociados con la introducción o el aumento en la circulación de un serotipo distinto al que predominaba previamente en una región afectada. Dado el riesgo de un incremento en la circulación del DENV-3 en el hemisferio sur de las Américas, durante la temporada de mayor actividad del dengue, la Organización Panamericana de la Salud / Organización Mundial de la Salud (OPS/OMS) insta a los Estados Miembros a prepararse para un posible aumento de casos y garantizar el diagnóstico temprano y la atención oportuna de los casos de dengue y otros arbovirus, con el fin de prevenir casos graves y defunciones asociadas a estas enfermedades.



- 2025, N=1, Caso autóctono en pcia. de Santa Fe
- Se identificó nuevamente el genotipo III, linaje B3



Conclusiones y nuevos interrogantes en la etapa post-vacuna del dengue en Argentina



Conclusiones y nuevos interrogantes en la etapa post-vacuna del dengue en Argentina

El dengue atraviesa un cambio de escala epidemiológica: más transmisión, más expansión territorial, temporadas más prolongadas y mayor impacto sanitario. La epidemia 2023–2024 marcó un punto de inflexión para Argentina y la Región.

El cambio climático, la urbanización, la movilidad humana y las desigualdades socioambientales están modificando las condiciones de transmisión y aumentando la vulnerabilidad epidemiológica.

Las estrategias tradicionales de control vectorial continúan siendo necesarias, pero han mostrado limitaciones para modificar de manera sostenida la incidencia en escenarios de alta transmisión.

La etapa post-vacuna abre una oportunidad para reducir hospitalizaciones, dengue grave y mortalidad, aun en contextos donde persista la circulación viral.

Sin embargo, es esperable un escenario heterogéneo: coexistencia de áreas con descenso de casos graves, persistencia epidémica en regiones de baja cobertura y posibles reintroducciones vinculadas a nuevos serotipos.



Conclusiones y nuevos interrogantes en la etapa post-vacuna del dengue en Argentina

La vigilancia epidemiológica, molecular y genómica será clave para monitorear virus circulantes, detectar cambios epidemiológicos y acompañar las estrategias de vacunación y seguridad vacunal.

El futuro del control del dengue probablemente dependa de estrategias integradas y sostenidas que combinen vacunación, vigilancia, control vectorial, innovación tecnológica y abordajes intersectoriales sobre los determinantes sociales y ambientales.

En un escenario de expansión territorial del vector, fortalecer la capacidad de respuesta de los sistemas de salud será determinante para reducir el impacto sanitario, social y económico del dengue.



Muchas gracias